Informe PEC1: Análisi de Dades Metabòlomiques

**Introducció**

Aquesta PEC completa la introducció a les òmiques mitjançant un exercici de repàs i ampliació que ens permet treballar amb algunes de les eines d' aquest curs, en concret, Bioconductor i l' exploració multivariant de dades.L'objectiu d'aquesta PEC és planificar i executar una versió simplificada del procés d'anàlisi de dades òmiques, alhora que practicar amb algunes de les eines i mètodes que s'han treballat.

**Metodologia**

1. Seleccionar un dataset de metabòlomica del repositori github:https://github.com/nutrimetabolomics/metaboData/

2. Crear un contenidor de tipus SummarizedExperiment que contingui les dades i metadades(informació sobre el dataset, les files i les columnes).

3. Exploració del dataset que proporcioni una visió general.

Pasos i resultats

1. **Selecció del Data Set**

Anem al repositori de github donat i triem un data set de metabolòmica. Per aquesta entrega PEC 1 escollirem:



Dins de la carpeta DataSets del repositori anem al 2024-Cachexia i descarreguem l’arxiu .csv

Interfaz de usuario gráfica, Texto, Aplicación, Correo electrónico

Descripción generada automáticamente

1. **Creació del contenidor SummarizedExperiment**

Imagen que contiene Escala de tiempo

Descripción generada automáticamente

Texto

Descripción generada automáticamente

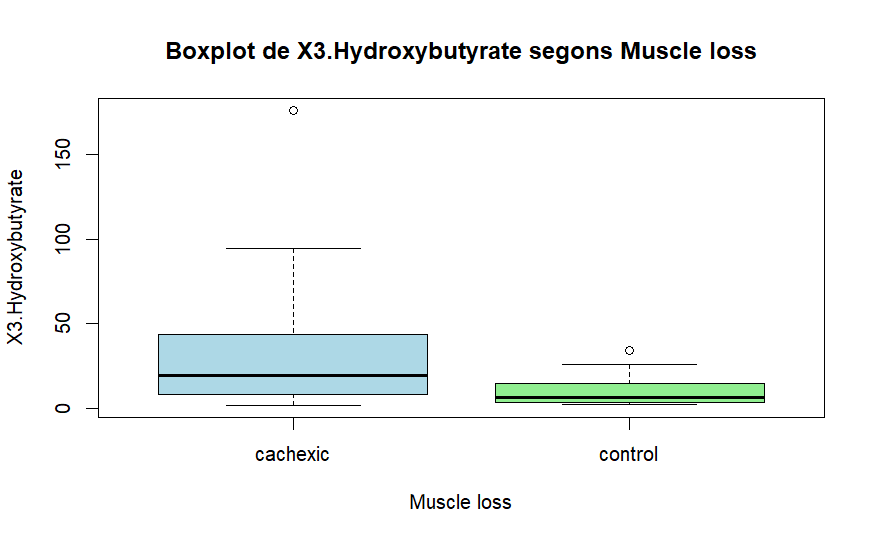
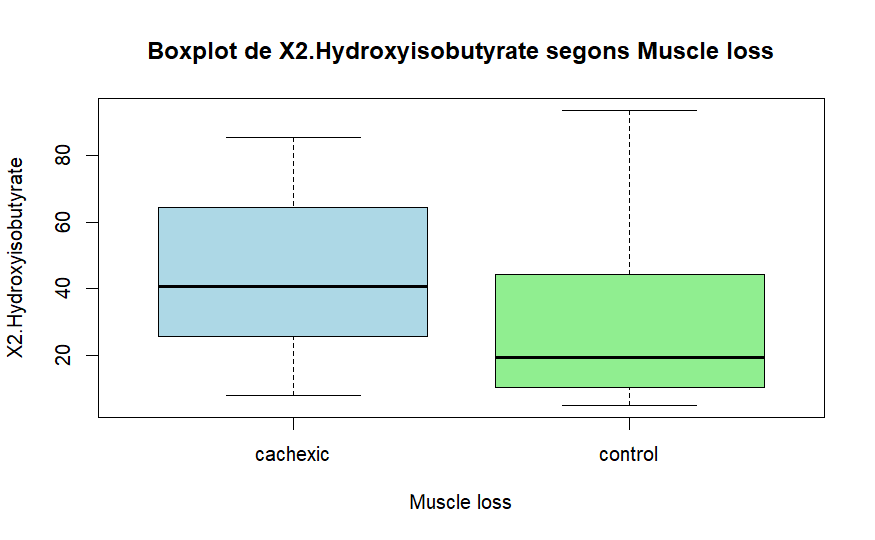
1. **Resultats de l’exploració de dades**

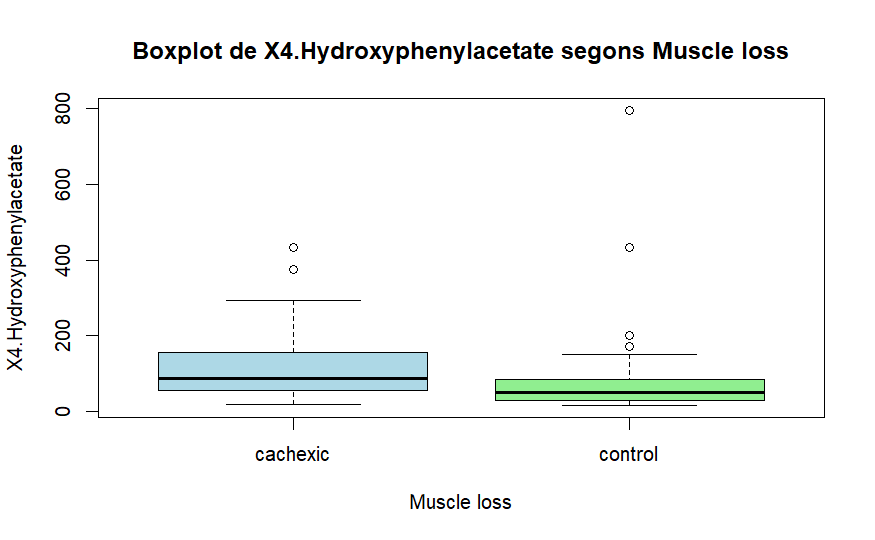
Tal i com es pot veure al informe html. Interfaz de usuario gráfica

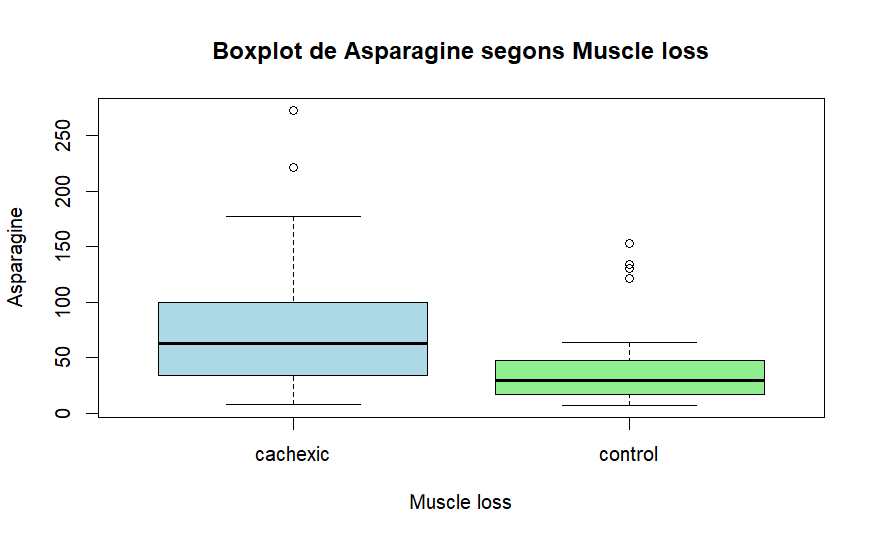
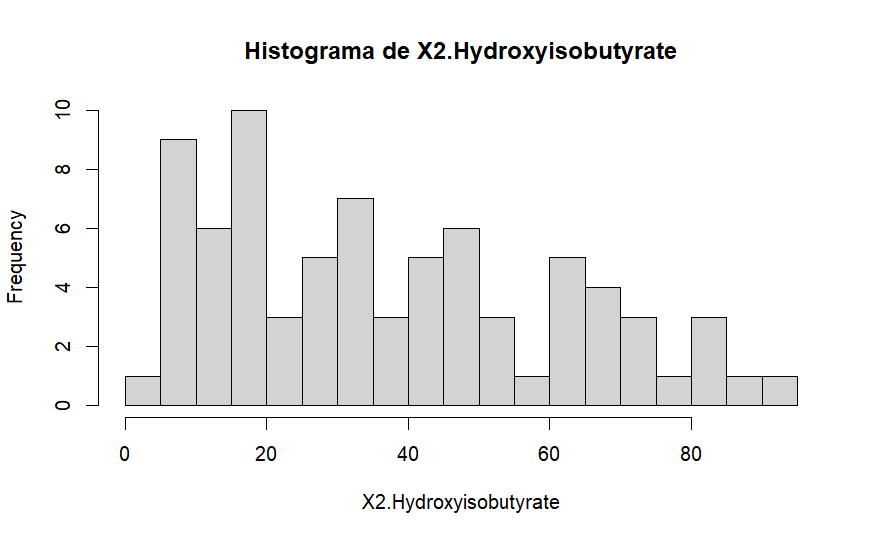
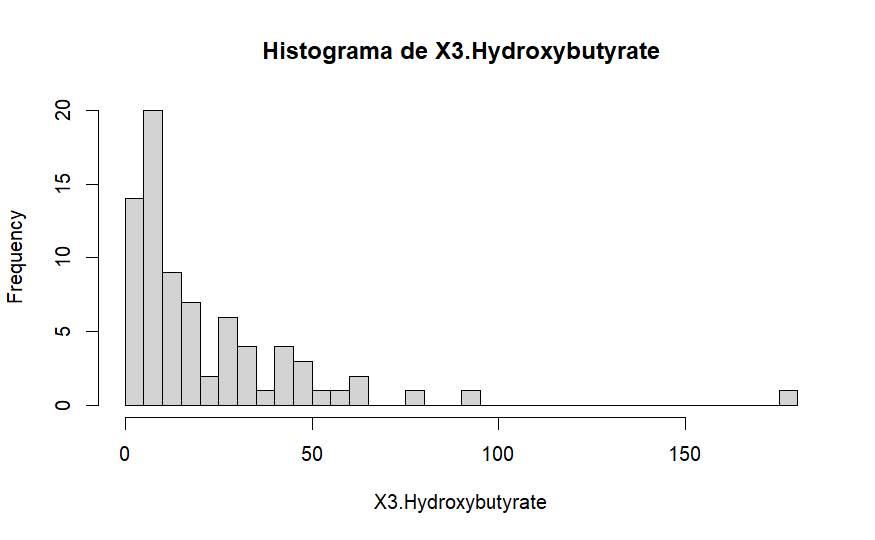
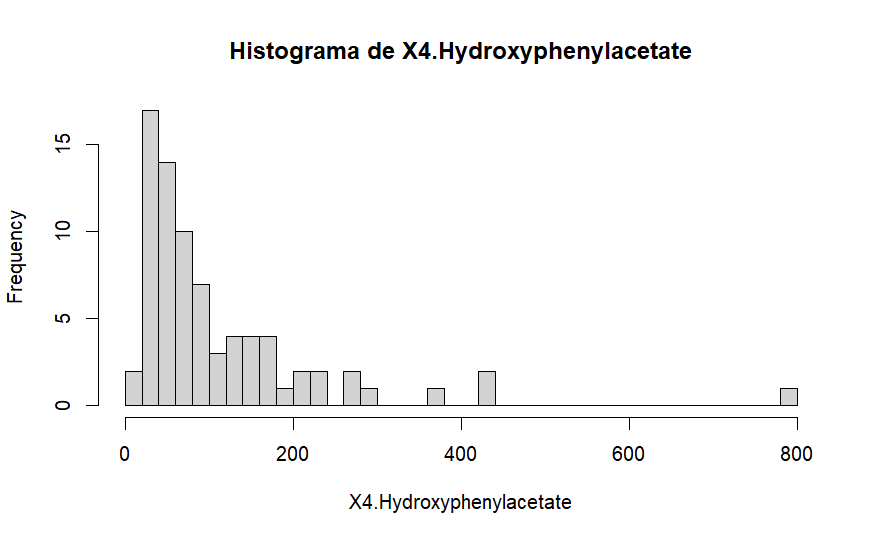
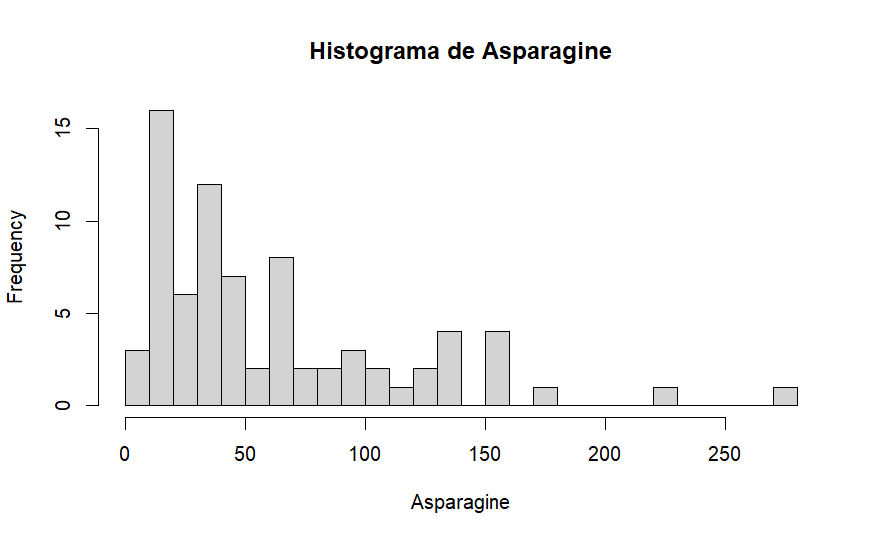
Descripción generada automáticamente con confianza media

Imagen que contiene Texto

Descripción generada automáticamente







Interfaz de usuario gráfica, Texto, Aplicación

Descripción generada automáticamente

Interfaz de usuario gráfica, Texto, Aplicación, Correo electrónico

Descripción generada automáticamente

Link al repositori:

<https://github.com/Macacio/Acacio-Espinosa-Monica-PEC1/>